



ДИСБИОЗ КИШЕЧНИКА КАК ПРЕДИКТОР БОЛЕЗНИ ПАРКИНСОНА

Цель исследования: проведение анализа научных источников литературы, позволяющих определить причинно-следственную связь состава кишечного микробиома и развития болезни Паркинсона (БП)

Материалы и методы: был проведен поиск и анализ российских и зарубежных научных публикаций за последние 5 лет о возможности раннего выявления развития БП при использовании микробных маркеров

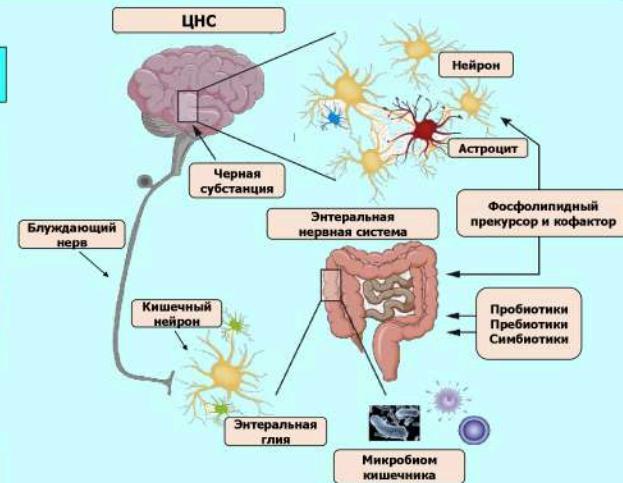
По данным ВОЗ на 2020 г., БП страдают более 4 млн. человек и их количество возрастает. В РФ зарегистрировано около 210 тыс. пациентов, а в Тверской области ежегодно фиксируется более 100 новых случаев.



Основные симптомы БП

- Наклон головы вперёд
- Неразборчивая речь
- Тремор головы, рук
- «Скованность» мышц
- Проблемы глотания
- Шаркающая походка
- Наклон корпуса, отсутствие баланса

В НАСТОЯЩЕЕ ВРЕМЯ БОЛЬШОЙ ИНТЕРЕС ПРЕДСТАВЛЯЕТ РОЛЬ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА В ПАТОГЕНЕЗЕ БОЛЕЗНИ ПАРКИНСОНА



Характерной чертой БП считается прогрессирующее разрушение дофаминергических нейронов из черной субстанции и холинергических нейронов из заднего моторного ядра блуждающего нерва, что проявляется клиническими симптомами.



В исследование Миллюхина И.В. и соавт. (2017 г.) были включены 192 метагеномных профиля кишечной микробиоты, полученных в результате amplicонного секвенирования: 93 профиля были от пациентов с БП; 66 – от здоровых людей; 33 – от пациентов с другими неврологическими заболеваниями (расеянный склероз, идиопатическая дистония).



В исследование Красакова И.В. и соавт. (2018 г.) были включены 16 пациентов (7 мужчин и 9 женщин; возраст 58–67 лет) с БП. В группу сравнения вошли 94 пациента (25 мужчин и 69 женщин; возраст 55–65 лет) с различной соматической патологией (отобраны методом сплошной выборки).



3. Clostridium subterminale



2. Bifidobacterium spp.



1. Clostridium coccoides



4. Clostridium hystolyticum



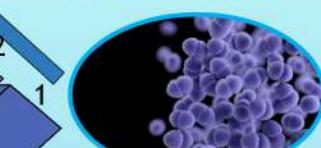
5. Nocardia asteroides



3. Ruminococcus spp.



2. Eubacterium lentum



1. Staphylococcus intermedius

РЕЗУЛЬТАТЫ

Уменьшилось количество следующих микроорганизмов

В 6,3 раза

В 4 раза

В 2,5 раза

В 1,4 раза

В 1,2 раза

Увеличилось количество следующих микроорганизмов:

В 5,8 раз

В 6 раз



Выводы: определение микробных биомаркеров на латентной стадии развития БП является одним из важных направлений борьбы с ним. Поэтому требуется проведение лабораторных исследований более четкими и стандартизованными методиками.